

## **EXHIBIT E**

Exhibit E. Figure 1 of specification. Asterisks denote residues that are conserved between GFP, DsRed and polypeptides encoded by the wild type nucleic acids disclosed in the specification.

	10	30	40	50	
GFP	MSKSSSELEFTGVVPIVLELGGDVNCHKFAVSGEGEGDATYQKLTLLKFICTGKLPVP	..NPT	SEQ ID NO:29		
DsRed	MRSSKNVIGSFMRFKVRMEGTVNGHFEFISSGEGGQRPYDSMNTVKIKVTKGS	..PLFFARDI	SEQ ID NO:30		
ppluGFP1	MPANKISCRISGTLNQVVPFLVGGGEGGIVPEQGRMTNMMKSTKGA	..LTFSFYL	SEQ ID NO:02		
ppluGFP2	-----T-----E-----T-----		SEQ ID NO:04		
laesGFP	--V-----R--SS--A-D-NIDE-----	..P-S----	SEQ ID NO:06		
pmeaGFP1	--D--L--H--M--SS--L-A-D-NIDE-----	..L--..PIS----	SEQ ID NO:08		
pmeaGFP2	--D--L--H--M--SS--L-S-D-NTD-----	..N--..I--..P-S----	SEQ ID NO:10		
pmedGFP1	--N--L-----M--SS--A--NTDE-----	..D-S-----	SEQ ID NO:12		
pmedGFP2	--H--L-----M--SS--A-D-NTDE-----	..Q-----P-S----	SEQ ID NO:14		
pdae1GFP	--A-----T--M--A--E-----NTD-----	..P-S----	SEQ ID NO:16		
	60	70	80	90	100
GFP	LVTTFSTYGVQCFSRAVPCRMKQHDFPKHANPFGVYQENTIFPKDDGNVYKTRAENVKFEQDT		SEQ ID NO:29		
DsRed	LSEFPQYGVSKYVVKHPADIP..CYKKLSFPEQFKWERVMNFEDGGVVTVTQDSGLQGGC		SEQ ID NO:30		
ppluGFP1	LQHVNGYGFYHFGSTYFSGYEN..DPLHAANNGHFTNTRISKYSGGGVLHVFSYRYEAGR		SEQ ID NO:02		
ppluGFP2	-----I-----		SEQ ID NO:04		
laesGFP	---I-----YA-F-A---VY---K-----T-R-----IIS-N-T---GMR		SEQ ID NO:06		
pmeaGFP1	---IL---Y---A-F-A---IY---MK---S-V-T-R-----IISIT-N---GMR		SEQ ID NO:08		
pmeaGFP2	---IL---Y---A-F-A---IY---MK---S-V-T-R-----IISIT-N---GSK		SEQ ID NO:10		
pmedGFP1	---L---Y---YA-F-A---VY---MK---S---T-R-----IISAT-N---GEG		SEQ ID NO:12		
pmedGFP2	---L---Y---YA-F-A---VY---MK---S---T-R-D---IISAT-N---GEG		SEQ ID NO:14		
pdae1GFP	-----F-----VY---NT-----S-----YLT-N---LDGKK		SEQ ID NO:16		
	120	130	140	150	160
GFP	LVYRIELNGIDFKEDENILGHKLESTNENSHVYIMADRQKMGIMVNSFKIENNIEDGSVQL		SEQ ID NO:29		
DsRed	PIYKVFPIGVNPPEDGGPVNQ..EKIMCKNEASTERLYE..RDGVILNGRIHKALKIMDGGHYL		SEQ ID NO:30		
ppluGFP1	VIGDFPVVGTPGFPEDS.VIPTDMIIKENATVENLHP..MGDMVLVSSPAPTFELRDGGYYS		SEQ ID NO:02		
ppluGFP2	-----		SEQ ID NO:04		
laesGFP	-----S---AN--	-----K--P-C--IY..K---I--NAYT--WM-----	SEQ ID NO:06		
pmeaGFP1	I-----IN--L-----K--P-C-NMF--KA--T--NAYT--YL-K-----		SEQ ID NO:08		
pmeaGFP2	I-----I-----T--L-----K--P-C-NMF--KA--I--NAYT--YL-K-----		SEQ ID NO:10		
pmedGFP1	IR-----A--X-----K--P-C--IY..KAN-I--NAYT--WM-----		SEQ ID NO:12		
pmedGFP2	IR-----A--X-----K--P-C--IY..KAD-I--NAYT--WM-----		SEQ ID NO:14		
pdae1GFP	I-----C-----	-----K--PWC--FY--AE-IMENAYM--L-----	SEQ ID NO:16		
	180	190	200	210	220
GFP	ADHYQONTPIQDG..FVLLFONNYLSTQSALSXDPNBKRNDHMVLLEFVTAAGITWGDSELYK		SEQ ID NO:29		
DsRed	VEFKEIYMAKK...PVQLPGYIYVDSKLOFTSHNEDYT..IVEQYERTGERHHLPL		SEQ ID NO:30		
ppluGFP1	FVVDSDHMHKPSAIHPGILQNGGSMFAFRRYEELHSNT..ELGIVHYQHAKPTPTAPA		SEQ ID NO:02		
ppluGFP2	-----		SEQ ID NO:04		
laesGFP	AQ-NN-L--T-N--TM-----TY-K-----QS..DV-----V-----		SEQ ID NO:06		
pmeaGFP1	AQ-NN-----TM-----TY-V-----T-TQN..VA-----NV-----		SEQ ID NO:08		
pmeaGFP2	AQ-NN-----TM-----TH-V-----N-TE--NVA-----NV-----		SEQ ID NO:10		
pmedGFP1	AQ-NN--LQ-----TM-K-----TY-K-----TQ--V-----V--R-----		SEQ ID NO:12		
pmedGFP2	AQ-NN--FK-----TM-----TY-K-----TQ--V-----V--R-----		SEQ ID NO:14		
pdae1GFP	GQ-T--I--N-----H-----TY-----TQ--D-----V-----		SEQ ID NO:16		